

ALGORYTMY I STRUKTURY DANYCH

WYKŁAD V (materiały pomocnicze)

Struktury danych,
kolejka priorytetowa, struktura Find-Union



Polsko Japońska Wyższa Szkoła Technik Komputerowych

Warszawa, 7 grudnia 2008

Plan wykładu:

- kolejka priorytetowa:
 - kopiec binarny - drzewo,
 - kopiec binarny - tablica,
 - kopiec binarny - efektywna budowa,
 - kopiec binarny - algorytm sortowania,
 - kopiec lewicowy,
- struktura Find-Union:
 - listy z balansowaniem,
 - drzewa n -arne z balansowaniem i kompresją ścieżek.

Kolejka priorytetowa

Kolejka priorytetowa

Idea (model standardowy kolejki priorytetowej):

- $\langle E \cup PQ \cup \{true, false\}, empty, member, min, insert, delmin \rangle$, gdzie PQ jest uniwersum multizbiorów,
- $empty(pq) \equiv_{df} (pq = \emptyset)$,
- $member(pq, e) \equiv_{df} (e \in pq)$,
- $min(pq) =_{df} (min(\{e : e \in pq\}))$,
- $insert(pq, e) =_{df} (pq \cup \{e\})$,
- $delmin(pq, e) =_{df} (pq \setminus min(\{e : e \in pq\}))$.

Specyfikacja kolejki priorytetowej:

- sygnatura:
 - $\langle E \cup PQ, empty, member, min, insert, delmin \rangle$,
 - $empty : PQ \rightarrow \{true, false\}$,
 - $member : PQ \times E \rightarrow \{true, false\}$,

Kolejka priorytetowa

Specyfikacja kolejki(c.d.):

- sygnatura:

- $min : PQ \rightarrow E$,
- $insert : PQ \times E \rightarrow PQ$,
- $delmin : PQ \rightarrow PQ$,

- aksjomaty:

- $\langle E, \leq \rangle$ jest zbiorem liniowo uporządkowanym,
- $member(pq, e) \equiv P(pq, e)$, gdzie P jest następującym programem

```
while (!empty(pq)) {
    if (min(pq)==e) return true; else pq=delmin(pq);
}
return false;
```

Kolejka priorytetowa

Specyfikacja kolejki(c.d.):

- aksjomaty:

- $\neg \text{empty}(pq) \Rightarrow (\forall e \in E (\text{member}(pq, e) \Rightarrow \text{min}(pq) \leq e)),$
- $\text{member}(\text{insert}(pq, e), e),$
 $e \neq e' \Rightarrow \text{member}(pq, e) \equiv \text{member}(\text{insert}(pq, e'), e),$
- $\text{member}(\text{min}(pq), pq),$
 $e \neq \text{min}(pq) \Rightarrow \text{member}(pq, e) \equiv \text{member}(\text{delmin}(pq), e),$
- program `while (!empty(pq)) pq=delmin(pq);` ma własność stopu.

Twierdzenie. Dowolna struktura, która spełnia aksjomaty specyfikacji kolejki priorytetowej jest izomorficzna z pewną standardową strukturą kolejek priorytetowych.

Pytanie. Jaka jest złożoność średnia i pesymistyczna operacji kolejki priorytetowej *min*, *insert* oraz *delmin* w przypadku implementacji struktury odpowiednio w drzewie BST i AVL (zakładamy, że elementy kolejki priorytetowej nie powtarzają się)?

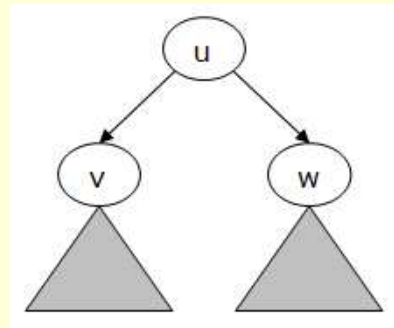
Kolejka priorytetowa

(kopiec binarny – drzewo)

Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - drzewo

Definicja. *Kopcem binarnym (typu min)* nazywamy drzewo binarne $G = (V_G, E_G, et)$, gdzie:

- $et : V_G \rightarrow E$ jest funkcją etykietowania wierzchołków i E jest pewnym niepustym, liniowo uporządkowanym zbiorem etykiet $\langle E, \leq \rangle$,
- dla każdej trójki wierzchołków u, v, w , jeżeli:
 - v jest lewym następnikiem wierzchołka u , to $et(u) \leq et(v)$,
 - w jest prawym następnikiem wierzchołka u , to $et(u) \leq et(w)$,

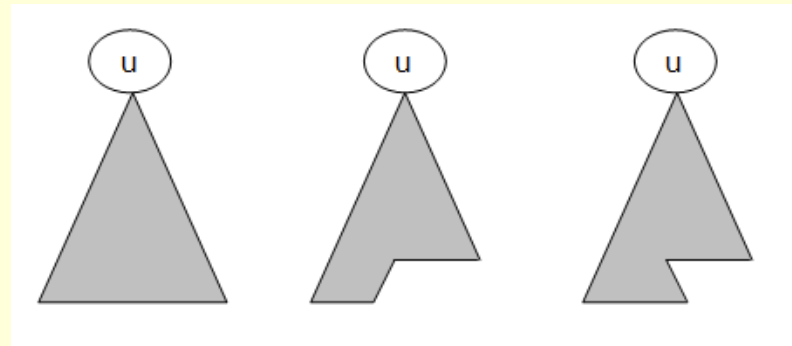


Uwaga! W dalszej części wykładu kopiec binarny będziemy nazywali kopcem.

Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - drzewo

Definicja (c.d.).

- drzewo jest drzewem doskonałym, z ewentualnym wyjątkiem ostatniego poziomu, na którym wszystkie liście są zgrupowane skrajnie na lewo (tzw. lewostronne wypełnienie)



Uwaga! Analogiczną definicję można wprowadzić dla kopców typu max. W dalszej części tego wykładu kopcem będziemy domyślnie nazywali kopiec typu min.

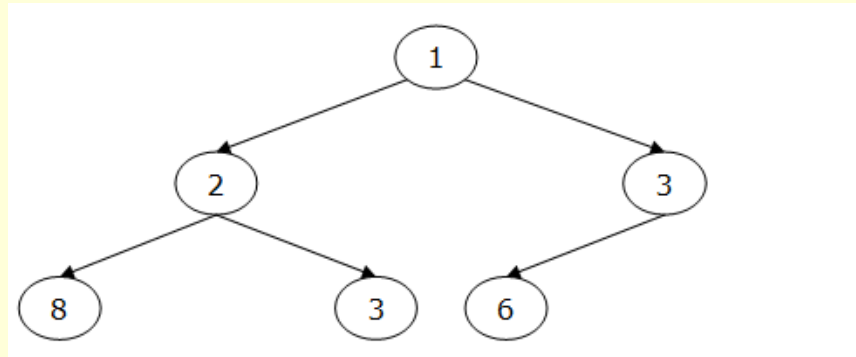
Pytanie. Czy kopiec jest drzewem zrównoważonym w sensie zrównoważenia struktury AVL?

Pytanie. Z ilu co najmniej i co najwyżej wierzchołków składa się kopiec wysokości 6?

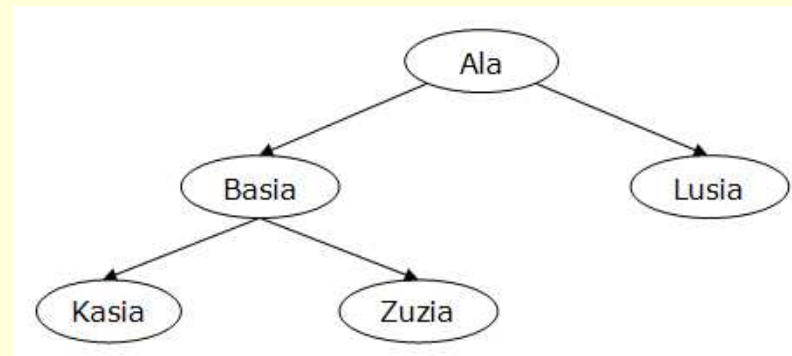
Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - drzewo

Przykłady:

- zbiór etykiet $\langle \mathbb{N}, \leq \rangle$:

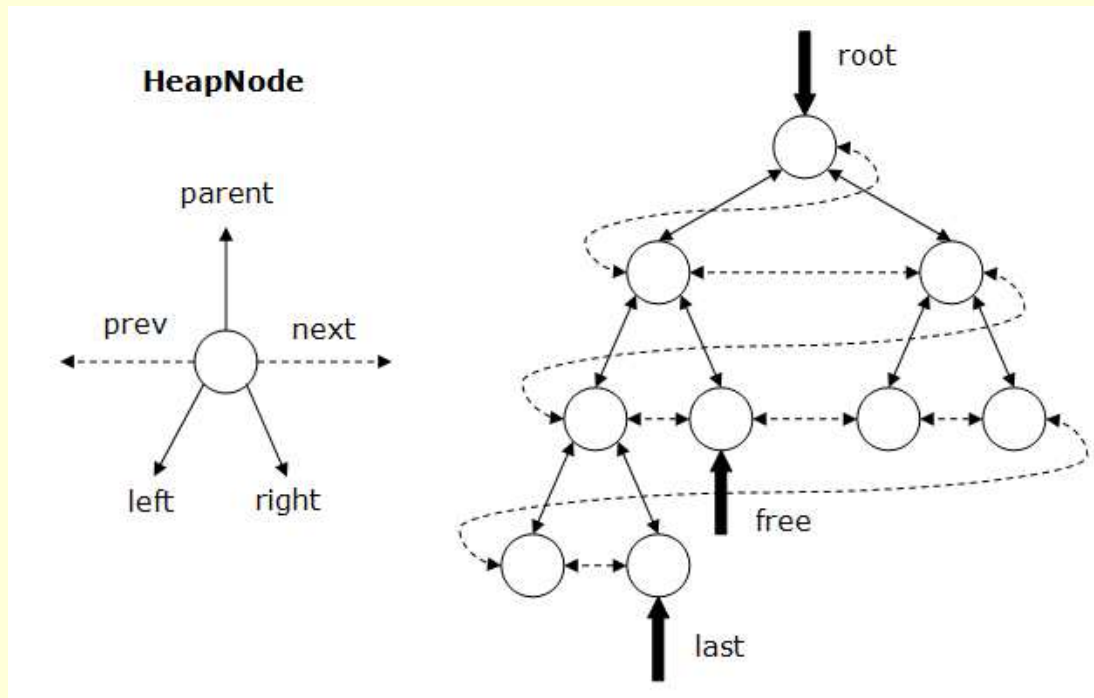


- zbiór etykiet $\langle \Pi, \leq_{leks} \rangle$, gdzie Π jest zbiorem słów języka polskiego:



Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - drzewo

Szczegóły implementacji.

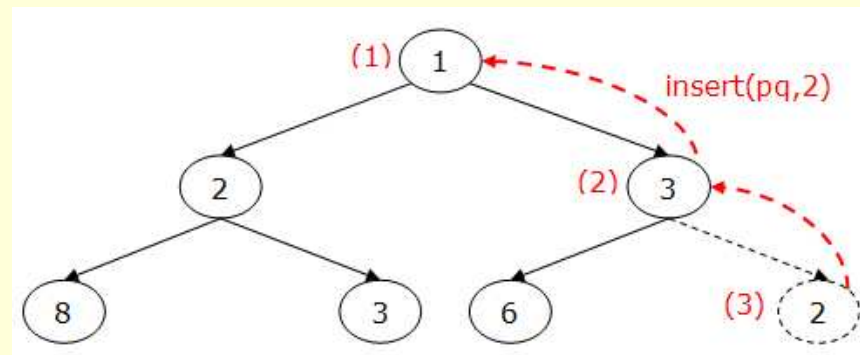


Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - drzewo

Operacji $insert(pq, e)$ – idea. Niech H będzie kopcem-drzewem, będącym implementacją kolejki priorytetowej pq dla uniwersum elementów E , i niech e będzie elementem uniwersum E , wtedy:

- utwórz nowy wierzchołek z etykietą e na ostatnim poziomie drzewa i na „pierwszej wolnej” skrajnie lewej pozycji (odpowiednio dowiązania $free.left$ albo $free.right$),
- rozpoczynając od nowo utworzonego wierzchołka v :
 - jeżeli $et(v) < et(v.parent)$, zamień etykiety wierzchołków v oraz $v.parent$, przejdź do wierzchołka $v.parent$ i powtórz postępowanie, w p.p. zakończ działanie algorytmu.

Przykład. Wstawiamy do kolejki priorytetowej $pq = \{1, 2, 3, 3, 6, 8\}$ element 2.



Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - drzewo

Operacja $delmin(pq)$ – idea. Niech H będzie kopcem-drzewem, będącym implementacją kolejki priorytetowej pq dla uniwersum elementów E , wtedy:

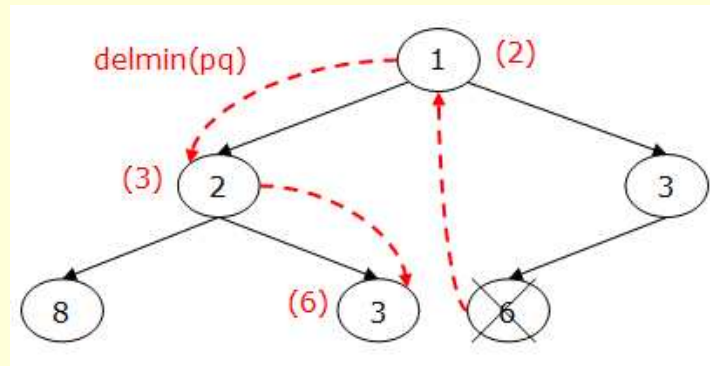
- zamień etykiety wierzchołka korzenia oraz wierzchołka v znajdującego się na ostatnim poziomie drzewa i na „ostatniej zajętej” skrajnie prawej pozycji (dowiązanie *last*),
- usuń wierzchołek v ,
- rozpoczynając od korzenia kopca (jeżeli $empty(pq) = false$):
 - niech v będzie aktualnie rozważanym wierzchołkiem, wtedy jeżeli

$$et(v) > \min(\{et(v.left), et(v.right)\}),$$

to zamień etykietę wierzchołka v z mniejszą z etykiet wierzchołków następników wierzchołka v , niech będzie to $et(u)$, przejdź do wierzchołka u i powtórz powyższe postępowanie, w p.p. zakończ działanie algorytmu.

Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - drzewo

Przykład. Usuwanie wierzchołek minimalny z kolejki priorytetowej $pq = \{1, 2, 3, 3, 6, 8\}$.



Pytanie. Jaka jest złożoność średnia i pesymistyczna operacji kolejki priorytetowej *min*, *insert* oraz *delmin* w przypadku implementacji struktury w kopcu-drzewie?

Pytanie. Jaka jest złożoność średnia i pesymistyczna operacji *member* w przypadku implementacji struktury w kopcu-drzewie?

Kolejka priorytetowa

(kopiec binarny – tablica)

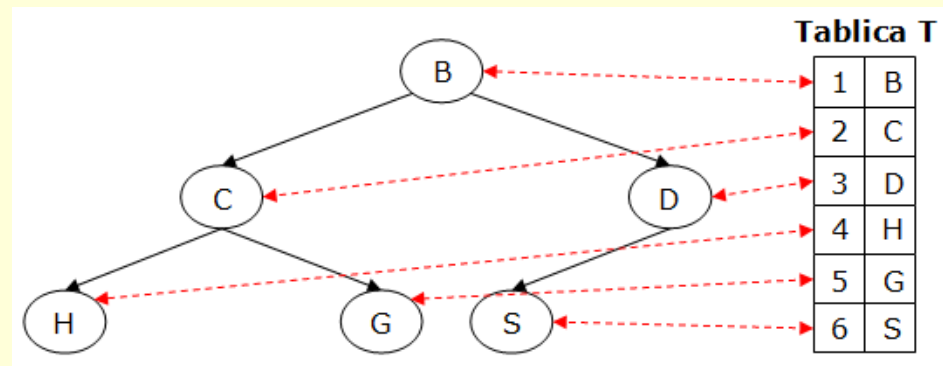
Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - tablica

Pytanie. Czy kopiec binarny można efektywnie zaimplementować w tablicy statycznej?

Odpowiedź. Tak, przy założeniu, że „z góry” znamy maksymalną liczbę n elementów przechowywanych w strukturze kopca. Wtedy dla każdego wierzchołka kopca-drzewa v , jeżeli indeks elementu v w tablicy statycznej T równy jest i , to (dla ułatwienia przyjmujemy, że tablica T indeksowana jest począwszy od wartości 1 do n):

- następnik lewy oraz prawy wierzchołka v , o ile istnieją, to elementy tablicy $T[2 \cdot i]$ oraz $T[2 \cdot i + 1]$,
- poprzednik wierzchołka v , o ile istnieje, to element $T[\lfloor \frac{i}{2} \rfloor]$.

Przykład. Kolejka priorytetowa $pq = \{B, C, D, H, G, S\}$ i jej równoważne implementacje, kopiec-drzewo i kopiec-tablica.

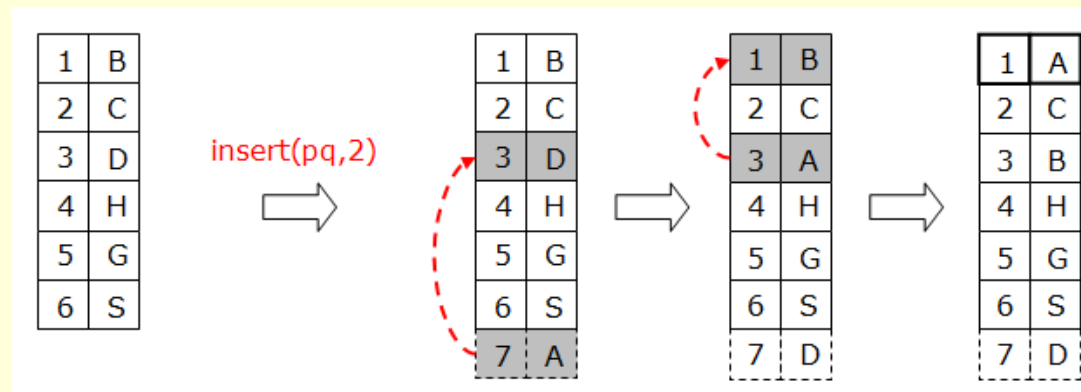


Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - tablica

Operacja $insert(pq, e)$ – idea. Niech T będzie kopcem-tablicą, będącą implementacją kolejki priorytetowej pq dla uniwersum elementów E , i niech e będzie elementem uniwersum E , wtedy:

- wstaw element e na „pierwszą wolną” pozycję w tablicy T , niech będzie to pozycja i -ta,
- rozpoczynając rozpoczynając od elementu $T[i]$:
 - jeżeli $T[i] < T[\lfloor \frac{i}{2} \rfloor]$, zamień elementy $T[i]$ oraz $T[\lfloor \frac{i}{2} \rfloor]$, podstaw $i = \lfloor \frac{i}{2} \rfloor$ i powtórz postępowanie, w p.p. zakończ działanie algorytmu.

Przykład. Wstawiamy do kolejki priorytetowej $pq = \{B, C, D, H, G, S\}$ element A .



Pytanie. Jaka jest złożoność średnia i pesymistyczna operacji kolejki priorytetowej $insert$ w przypadku implementacji struktury w kopcu-tablicy?

Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - tablica

Operacja *delmin*(*pq*) – idea. Niech H będzie kopcem-tablicą, będącą implementacją kolejki priorytetowej pq dla uniwersum elementów E , wtedy:

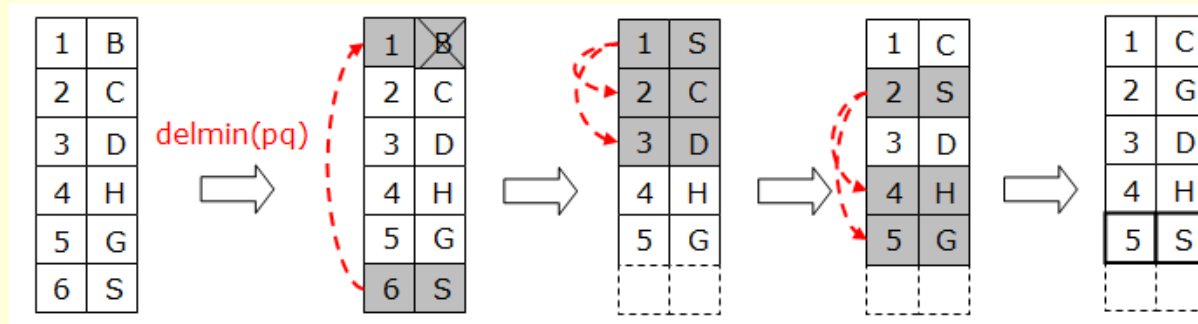
- podstaw $T[1] = T[i]$, gdzie i jest indeksem „ostatniej zajętej” pozycji w tablicy T ,
- usuń element i -ty tablicy T ,
- rozpoczynając od elementu $T[1]$ (jeżeli $empty(pq) = false$):
 - niech j będzie indeksem aktualnie rozważanego elementu w tablicy T , wtedy jeżeli

$$T[j] > \min(\{T[2 \cdot j], T[2 \cdot j + 1]\}),$$

to zamień $T[j]$ z mniejszym z elementów $T[2 \cdot j], T[2 \cdot j + 1]$, niech będzie to $T[k]$, podstaw $j = k$ i powtórz powyższe postępowanie, w p.p. zakończ działanie algorytmu.

Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - tablica

Przykład. Usuwanie wierzchołek minimalny z kolejki priorytetowej $pq = \{B, C, D, H, G, S\}$.



Pytanie. Jaka jest złożoność średnia i pesymistyczna operacji kolejki priorytetowej *delmin* w przypadku implementacji struktury w kopcu-tablicy?

Pytanie. Jaka jest złożoność średnia i pesymistyczna operacji *min* oraz *member* w przypadku implementacji struktury w kopcu-tablicy?

Pytanie. Jak efektywnie wyznaczyć pierwszą wolną/ostatnią zajętą pozycję w kopcu-tablicy *T*? Czy brak dodatkowej pamięci zmieni rząd złożoności operacji *insert* albo *delete*?

Kolejka priorytetowa

(kopiec binarny – efektywna budowa)

Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - efektywna budowa

Idea algorytmu HeapConstruct. Niech e_1, e_2, \dots, e_n będzie ciągiem n elementów pewnego zbioru E z wyróżnioną relacją porządku liniowego \leq :

- zapisz elementy ciągu w tablicy T (dla ułatwienia przyjmujemy, że tablica T indeksowana jest począwszy od wartości 1 do n),
- dla $i = \lfloor \frac{n}{2} \rfloor, \lfloor \frac{n}{2} \rfloor - 1, \dots, 1$ wykonaj (*):
 - niech j będzie indeksem aktualnie rozważanego elementu w tablicy T , wtedy jeżeli

$$T[j] > \min(\{T[2 \cdot j], T[2 \cdot j + 1]\}),$$

to zamień $T[j]$ z mniejszym z elementów $T[2 \cdot j], T[2 \cdot j + 1]$, niech będzie to $T[k]$, podstaw $j = k$ i powtórz powyższe postępowanie, w p.p. przerwij działanie i powróć do (*).

Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - efektywna budowa

Zadanie. Przedstaw „krok po kroku” działanie algorytmu HeapConstruct dla ciągu liczb 4,5,2,8,9,4,1,7,6.

Fakt. Pesymistyczną złożoność czasową algorytmu HeapConstruct można ograniczyć przez

$$W(n) \leq \sum_{h=0}^{\lfloor \lg n \rfloor} \left(\left\lceil \frac{n}{2^{h+1}} \right\rceil \cdot O(h) \right),$$

gdzie $\left\lceil \frac{n}{2^{h+1}} \right\rceil$ jest górnym ograniczeniem liczby węzłów będących korzeniami poddrzew wysokości h w kopcu n -elementowym, stąd

$$W(n) \leq n \sum_{h=0}^{\lfloor \lg n \rfloor} \left\lceil \frac{O(h)}{2^{h+1}} \right\rceil = O \left(n \sum_{h=0}^{\lfloor \lg n \rfloor} \frac{h}{2^h} \right)$$

i ponieważ $\sum_{h=0}^{\lfloor \lg n \rfloor} \frac{h}{2^h} \leq \sum_{h=0}^{\infty} \frac{h}{2^h} = 2$, to $W(n) = O(n)$.

Pytanie. Czy złożoność czasową algorytmu HeapConstruct w wariacie implementacji strukturze dowiązaniowej (drzewie binarnym) jest także rzędu $O(n)$?

Pytanie. Jaka jest złożoność pamięciowa algorytmu HeapConstruct?

Kolejka priorytetowa

(kopiec binarny – sortowanie)

Kolejka priorytetowa – kopiec binarny - algorytm sortowania

Idea algorytmu HeapSort. Niech e_1, e_2, \dots, e_n będzie ciągiem n elementów pewnego zbioru E z wyróżnioną relacją porządku liniowego \leq , wtedy:

- zbuduj kopiec przez kolejne wstawienie elementów rozważanego ciągu do początkowo pustej struktury albo stosując algorytm HeapConstruct,
- wykonaj n razy operację *min* oraz *delmin*.

Rezultatem działania algorytmu jest uporządkowana niemalejąco permutacja elementów ciągu e_1, e_2, \dots, e_n .

Zadanie. Przedstaw „krok po kroku” działanie algorytmu HeapSort dla ciągu liczb 4,5,2,8,9,4,1,7,6.

Pytanie. Jaka jest średnia i pesymistyczna złożoność czasowa algorytmu HeapSort?

Pytanie. Jaka jest złożoność pamięciowa algorytmu HeapSort?

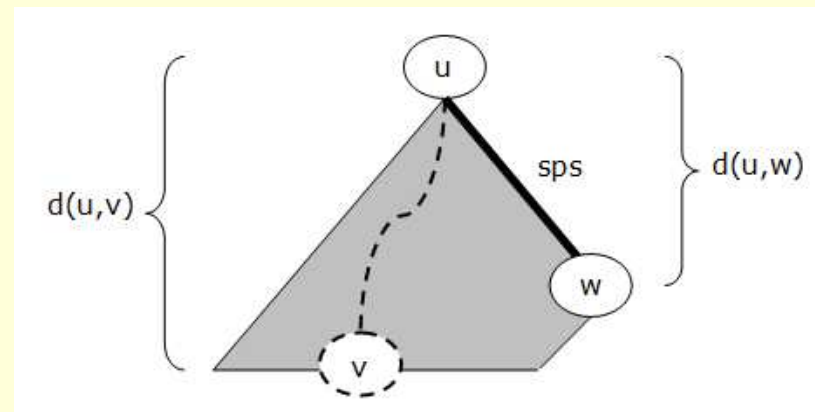
Kolejka priorytetowa

(kopiec lewicowy)

Kolejka priorytetowa – kopiec lewicowy

Definicja. *Kopcem lewicowym* nazywamy drzewo binarne $G = (V_G, E_G, et)$, gdzie:

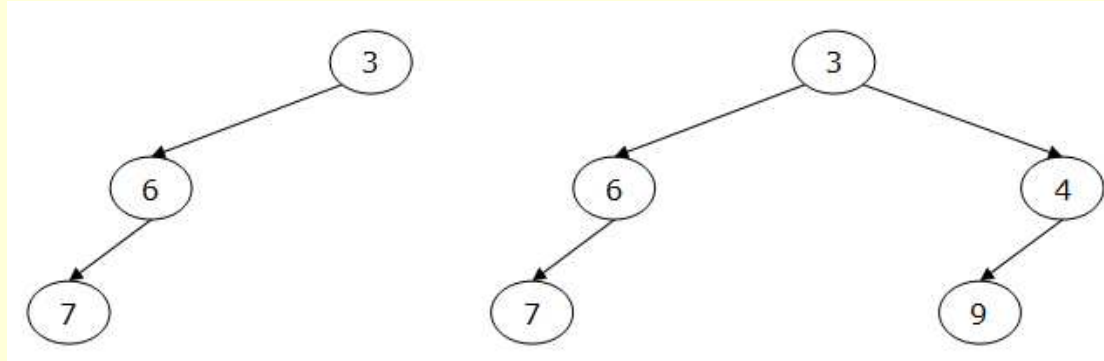
- $et : V_G \rightarrow E$ jest funkcją etykietowania wierzchołków i E jest pewnym niepustym, liniowo uporządkowanym zbiorem etykiet $\langle E, \leq \rangle$,
- etykiety wierzchołków ułożone są zgodnie z porządkiem kopcowym (typu min albo max),
- dla każdej trójki wierzchołków u, v, w , gdzie wierzchołki u, w są ustalone oraz wierzchołek w nie posiadają prawego następnika a wierzchołek v nie posiada lewego lub prawego następnika, różnica długości ścieżek z wierzchołka u do wierzchołka v oraz z wierzchołka u do wierzchołka w (tzw. *skrajnie prawa ścieżka*, inaczej $sps(u) = d(u, w)$), jest liczbą nieujemną (tj. $sps(u) \leq d(u, v)$).



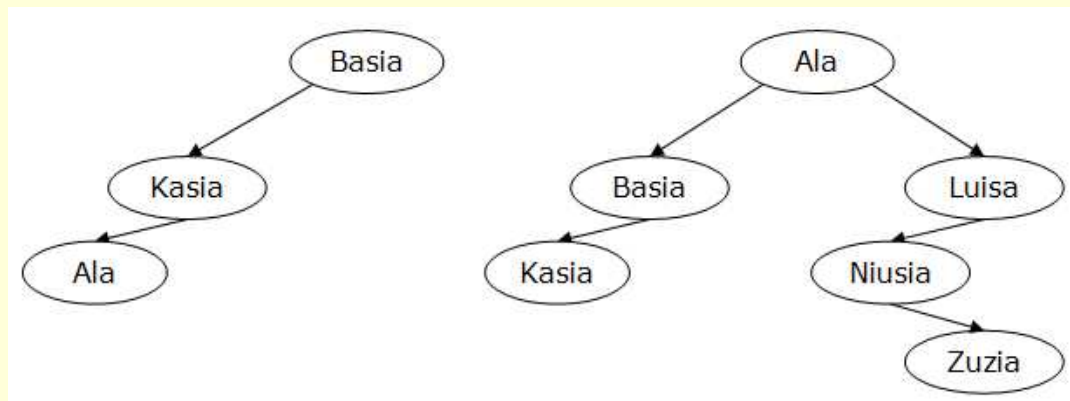
Kolejka priorytetowa – kopiec lewicowy

Przykłady:

- drzewa binarne będące kopcami lewicowymi, zbiór etykiet $\langle \mathbb{N}, \leq \rangle$:



- drzewa binarne nie będące kopcami lewicowymi, zbiór etykiet $\langle \Pi, \leq_{leks} \rangle$:



Kolejka priorytetowa – kopiec lewicowy

Lemat. Niech H będzie kopcem lewicowym składającym się z n wierzchołków. Długość skrajnie prawej ścieżki w kopcu H jest nie większa niż $\lfloor \lg n \rfloor$.

Dowód. Załóżmy, że H jest n -elementowym kopcem lewicowym, w którym skrajnie prawa ścieżka jest długości d większej niż $\lfloor \lg n \rfloor$. Ponieważ kopiec H jest drzewem lewicowym, to do poziomu d włącznie jest także drzewem doskonałym (w p.p. istniałaby ścieżka korzeń-wierzchołek nie posiadający lewego lub prawego następnika o długości mniejszej niż d , czyli kopiec H nie byłby drzewem lewicowym). Stąd kopiec H zbudowany jest z co najmniej $2^{d+1} - 1$ wierzchołków. Ponieważ z założenia $d > \lfloor \lg n \rfloor$, to $2^{d+1} - 1 > 2^{\lfloor \lg n \rfloor + 1} - 1 \geq 2^{\lg n}$, czyli liczba wierzchołków w kopcu H jest większa niż $2^{\lg n} = n$ – sprzeczność.

Ostatecznie w każdym n -elementowym kopcu lewicowym długość skrajnie prawej ścieżki jest mniejsza albo równa $\lfloor \lg n \rfloor$.

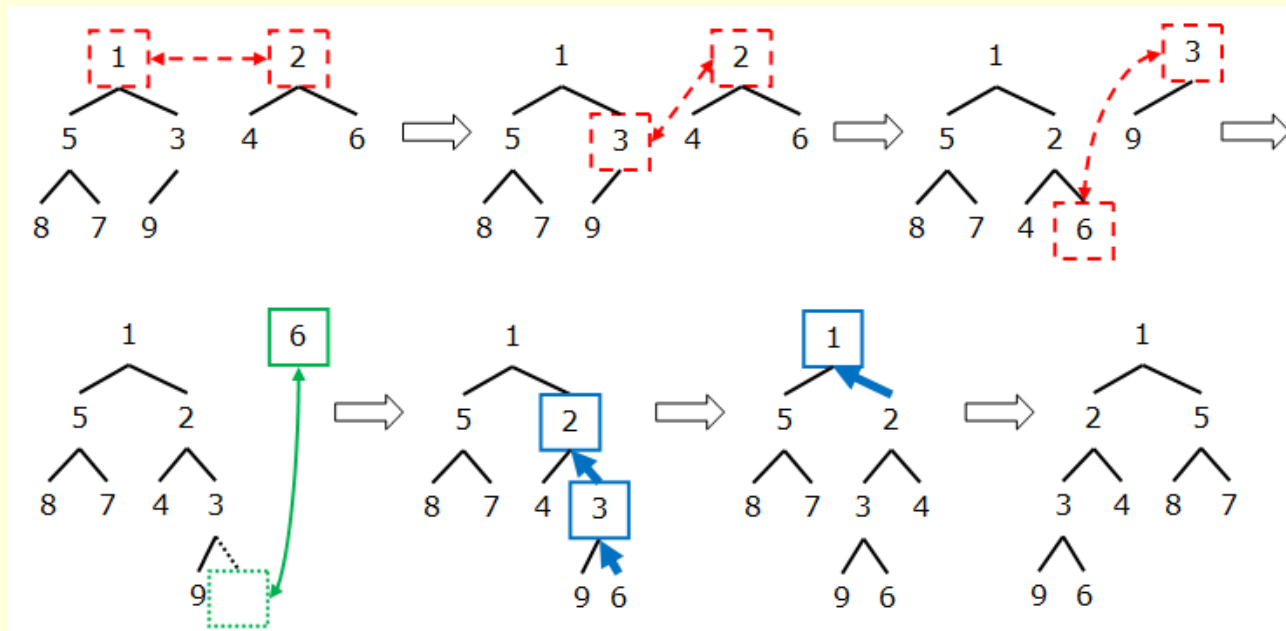
Kolejka priorytetowa – kopiec lewicowy

Operacja $merge(v_1, v_2)$ – idea. Niech v_1 oraz v_2 będą dowiązaniem do korzeni kopców lewicowych odpowiednio H_1 oraz H_2 . Wykonaj kolejno:

- jeżeli drzewo H_1 albo H_2 jest drzewem pustym, to:
 - jeżeli drzewo H_1 jest drzewem pustym, to rezultatem scalania jest drzewo H_2 , w.p.p. rezultatem scalania jest drzewo H_1 ,
- w p.p.:
 - jeżeli $et(v_1) > et(v_2)$, to zamień miejscami poddrzewa o korzeniach v_1 oraz v_2 ,
 - wykonaj rekurencyjnie scalanie $v_1.right = merge(v_1.right, v_2)$,
 - jeżeli $d(sps(v_1.left)) < d(sps(v_1.right))$, to zamień miejscami poddrzewa o korzeniach $v_1.left$ oraz $v_1.right$,
 - rezultatem scalania jest drzewo o korzeniu w wierzchołku v_1 .

Kolejka priorytetowa – kopiec lewicowy

Przykład. Scalanie dwóch kopców lewicowych z użyciem metody *merge*. Kolorem czerwonym zaznaczono wierzchołki będące argumentami porównania $et(v_1) > et(v_2)$, kolorem zielonym właściwe scalanie a kolorem niebieskim wierzchołek korzeń będący argumentem porównania $d(sps(v_1.left)) < d(sps(v_1.right))$.



Kolejka priorytetowa – kopiec lewicowy

Wniosek. Jeżeli v_1 oraz v_2 są dowiązaniem do korzeni kopców lewicowych, to rezultat operacji $merge(v_1.right, v_2)$ jest także kopcem lewicowym.

Wniosek. Niech v_1 oraz v_2 będą dowiązaniem do korzeni kopców lewicowych odpowiednio n i m wierzchołkowego, wtedy

$$W(merge(v_1.right, v_2), n, m) = O(\lg(\max(n, m))).$$

.Prytanie. Jaka jest złożoność pamięciowa operacji $merge$?

Kolejka priorytetowa – kopiec lewicowy

Operacja $insert(pq, e)$ – idea. Niech H_1 będzie kopcem lewicowym z wierzchołkiem korzeniem v_1 , będącym implementacją kolejki priorytetowej pq dla uniwersum elementów E , i niech e będzie elementem uniwersum E , wtedy:

- utwórz nowy 1-wierzchołkowy kopiec lewicowy H_2 o korzeniu v_2 z etykietą e ,
- wykonaj $v_1 = merge(v_1, v_2)$.

Operacja $delmin(pq)$ – idea. Niech H będzie kopcem lewicowym z wierzchołkiem korzeniem v , będącym implementacją kolejki priorytetowej pq dla uniwersum elementów E , wtedy:

- usuń wierzchołek v ,
- wykonaj $v = merge(v.left, v.right)$.

Pytanie. Jaka jest złożoność czasowa i pamięciowa operacji kolejki priorytetowej min , $insert$, $delmin$ w przypadku implementacji struktury w kopcu lewicowym?

Struktura Find-Union

Struktura Find-Union

Przypomnienie. Niech $E = \{e_1, e_2, \dots, e_n\}$ będzie zbiorem, *podziałem zbioru E* nazywamy rodzinę zbiorów $U = \{S_1, S_2, \dots, S_k\}$ taką, że:

- $S_i \neq \emptyset$, dla każdego $1 \leq i \leq k$,
- $S_i \cap S_j = \emptyset$, dla każdego $1 \leq i < j \leq k$,
- $\bigcup_{i=1}^k S_i = E$.

Idea struktury Find-Union: niech $U = \{S_1, S_2, \dots, S_k\}$ będzie podziałem zbioru $E = \{e_1, e_2, \dots, e_n\}$ a \mathcal{U} zbiorem wszystkich możliwych podziałów zbioru E , wtedy

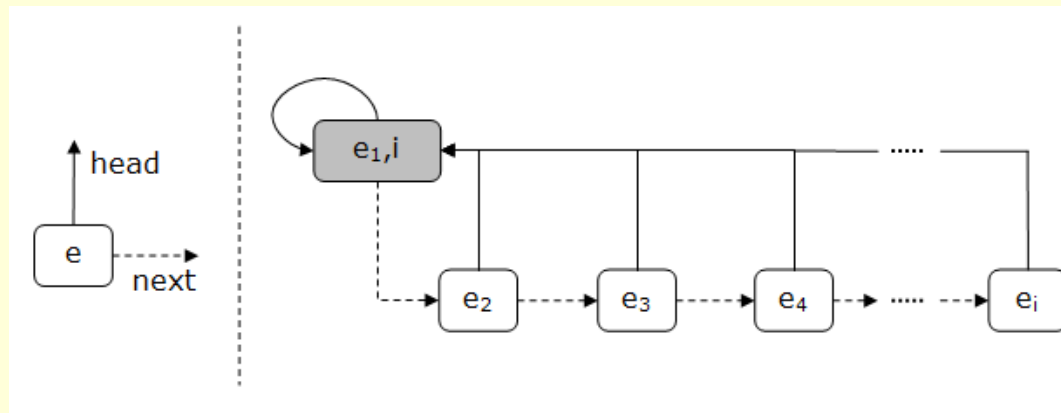
- $\langle E \cup \mathcal{U}, \text{init}, \text{find}, \text{union} \rangle$,
- $\text{init}(E) =_{df} (U)$ taki, że dla każdego $1 \leq i \leq k$ zachodzi $|S_i| = 1$,
- $\text{find}(U, e) =_{df} (S_i \in U)$ taki, że $e \in S_i$ i $1 \leq i \leq k$,
- $\text{union}(U, S_i, S_j) =_{df} (U')$ taki, że $U' = (U \setminus \{S_i, S_j\}) \cup \{S_i \cup S_j\}$ i $1 \leq i < j \leq k$.

Struktura Find-Union

(listy z balansowaniem)

Struktura Find-Union – listy z balansowaniem

Reprezentacja zbioru S_i :



gdzie:

- e_1 – reprezentant zbioru S_i ,
- i – licznik elementów zbioru S_i , tj. $i = |S_i|$.

Struktura Find-Union – listy z balansowaniem

Szkic realizacji operacji:

- $init(E)$ – utworzenie n jednoelementowych list,
- $find(U, e)$ – odczytanie etykiety elementu $e.head$,
- $union(U, S_i, S_j)$ – przyłączenie listy krótszej na koniec dłuższej (tzw. *balansowanie*), dla każdego elementu listy krótszej zmiana dowiązań do reprezentanta zbioru.

Zadanie. Przedstaw krok po kroku stan struktury Find-Union U dla zbioru $E = \{1, 2, 3, 4, 5, 6\}$ i ciągu operacji:

$$init(E); union(U, find(U, 1), find(U, 2)); union(U, find(U, 5), find(U, 6));$$
$$union(U, find(U, 2), find(U, 6)); union(U, find(U, 3), find(U, 6)).$$

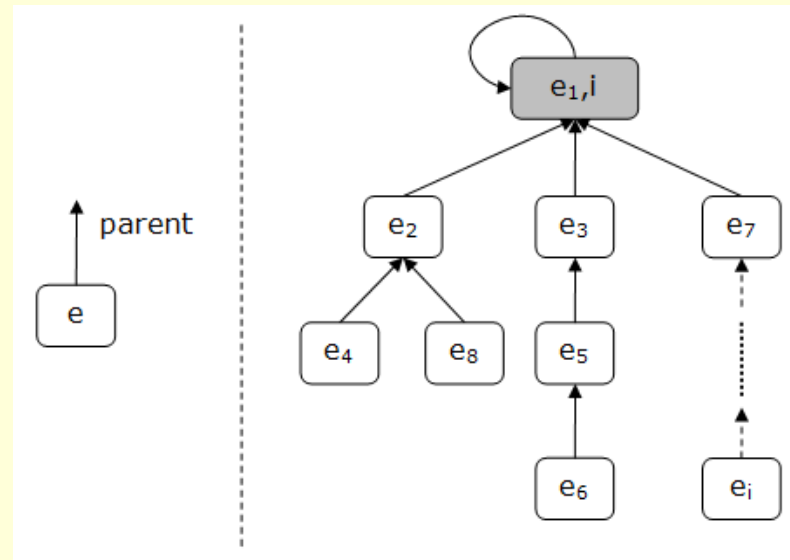
Twierdzenie. Koszt ciągu operacji $init$, oraz przemieszanych m operacji $find$ oraz n operacji $union$ dla implementacji struktury Find-Union w postaci zbioru list z balansowaniem jest rzędu $O(m + n \lg n)$.

Struktura Find-Union

(drzewa n -arne z balansowaniem i kompresją ścieżek)

Struktura Find-Union – drzewa n -arne z balansowaniem i kompresją ścieżek

Reprezentacja zbioru S_i :



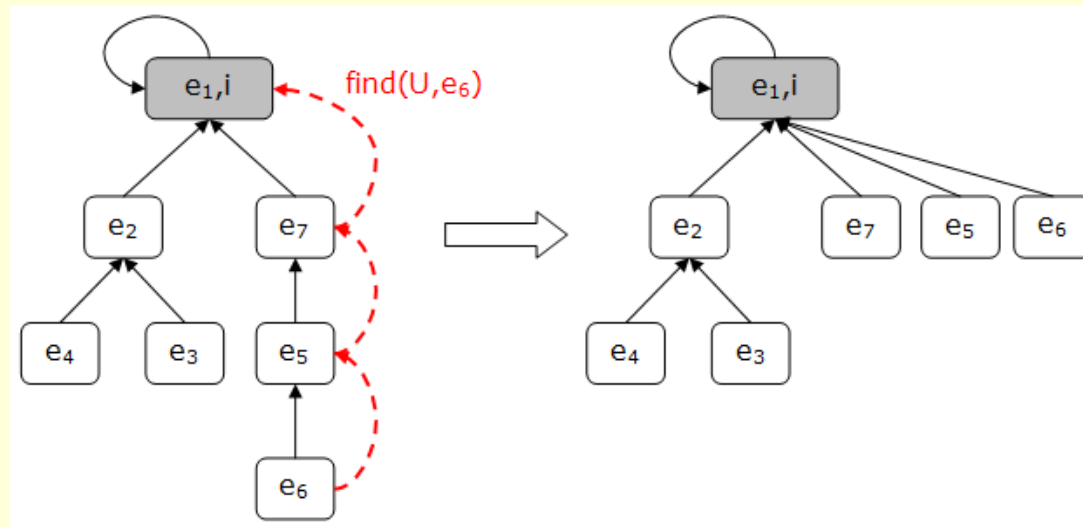
gdzie:

- e_1 – reprezentant zbioru S_i ,
- i – licznik elementów zbioru S_i , tj. $i = |S_i|$.

Struktura Find-Union – drzewa n -arne z balansowaniem i kompresją ścieżek

Szkic realizacji operacji:

- $init(E)$ – utworzenie n jednoelementowych drzew,
- $find(U, e)$ – przejście ścieżki z wierzchołka o etykiecie e do korzenia drzewa i odczytanie etykiety w korzeniu drzewa, w trakcie przechodzenia „dowiązanie” atrybutu $parent$, wszystkich odwiedzonych wierzchołków, bezpośrednio do korzenia drzewa (tzw. *kompresja ścieżek*), np.



Struktura Find-Union – drzewa n -arne z balansowaniem i kompresją ścieżek

Szkic realizacji operacji (c.d.):

- $union(U, S_i, S_j)$ – przyłączenie mniejszego drzewa bezpośrednio do korzenia drzewa większego (tzw. *balansowanie*).

Zadanie. Przedstaw krok po kroku stan struktury Find-Union U dla zbioru $E = \{1, 2, 3, 4, 5, 6\}$ i ciągu operacji:

$$init(E); union(U, find(U, 1), find(U, 2)); union(U, find(U, 5), find(U, 6));$$

$$union(U, find(U, 2), find(U, 6)); union(U, find(U, 3), find(U, 6)).$$

Twierdzenie. Koszt ciągu operacji $init$, oraz przemieszanych m operacji $find$ oraz n operacji $union$ dla implementacji struktury Find-Union w postaci zbioru drzew z balansowaniem i kompresją ścieżek jest rzędu $O((m + n) \lg^* n)$, gdzie

$$\lg^* n = \min \left(i \in \mathbb{N} : \underbrace{\lg \lg \dots \lg(n)}_i = 1 \right).$$